



**Abteilung Transplantationsdiagnostik**

Analyt (Meßgröße)	Untersuchungs-material (Matrix)	Untersuchungs-technik	Anweisung	Gerät	CE-Verfahren	in Haus-Verfahren	Akkreditierungs-status	Zeiten der Untersuchung in Werktagen**
Immunphänotypisierung, Nachweis membranständiger Antigene (CD3, CD4, CD8, CD14, CD16/56, CD19, CD45)	Blut (EDTA)	Durchflusszytometrische Zellzahlbestimmung und -differenzierung	3.28 (173061) 006/04.2025	FACS Lyric (Becton Dickinson)	nein	ja	[Flex C]	3
Tuberkulose ELISpot	Blut (Heparin)	Zytokinfreisetzungstest	3.25 (169710) 007/08.2023	ELISpot Reader (AID)	ja	nein	[Flex C]	7
SARS-CoV-2-ELISpot	Blut (Heparin)	Zytokinfreisetzungstest	3.41 (342719) 001/06.2023	ELISpot Reader (AID)	ja	nein	[Flex C]	7
CMV ELISpot	Blut (Heparin)	Zytokinfreisetzungstest	3.26 (172095) 006/05.2024	ELISpot Reader (AID)	ja	nein	[Flex C]	7
BKV ELISpot #	Blut (Heparin)	Zytokinfreisetzungstest	3.40 (307469) 004/08.2023	ELISpot Reader (AID)	nein	ja	[Flex C]	7
EBV ELISpot #	Blut (Heparin)	Zytokinfreisetzungstest	3.39 (307468) 001/10.2023	ELISpot Reader (AID)	nein	ja	[Flex C]	7
VZV ELISpot #	Blut (Heparin)	Zytokinfreisetzungstest	3.37 (307466) 004/01.2025	ELISpot Reader (AID)	nein	ja	[Flex C]	7
Lymphozytentransformationstest für Diagnostik (Mitogene)	Blut (Heparin)	Proliferationsmessung	3.27 (172214) 008/07.2025	Microbeta Trilux	nein	ja	[Flex C]	10
Corynebacterium diphtheriae-AK	Serum	Enzyme-Linked-Immunosorbent-Assay (ELISA)	3.24 (169699) 006/11.2022	Immunomat (Serion/Virion)	ja	nein	[Flex B]	21
Clostridium tetani-AK	Serum	Enzyme-Linked-Immunosorbent-Assay (ELISA)	3.24 (169699) 006/11.2022	Immunomat (Serion/Virion)	ja	nein	[Flex B]	21
HLA spezifische Antikörper (anti-HLA-Klasse I und II) <small>ID 72010   Rev.: 010/11.2025</small>	Serum, EDTA-Plasma	Durchflusszytometrische Analyse mittels Farbcodierter Beads (partikelbasierte Multiplexassays, Ligandenbindung)	3.08 (15047) 006/09.2021	Luminex FlexMAP 3D	ja	nein	[Flex C]	21



### Abteilung Transplantationsdiagnostik

Thrombozyten-spezifische Antikörper (HPA-AK)	Serum	Durchflusszytometrische Analyse mittels Farbcodierter Beads (partikelbasierte Multiplexassays, Ligandenbindung)	3.03 (154280) 008/09.2023	Luminex FlexMAP 3D	ja	nein	[Flex C]	7
Durchflusszytometrische Verträglichkeitsprüfung im HLA-System (Cross-Match)	Blut (Heparin) und Serum	Zell- und Funktionsanalyse mit Fluoreszenzfarbstoffen oder Antikörpern	3.10 (14035) 020/05.2025	FACS Lyric (Becton Dickinson)	nein	ja	[Flex C]	7
HLA spezifische Antikörper (HLA-Klasse I)	Serum, EDTA-Plasma	Lymphozytotoxische Untersuchungen im Rahmen der Gewebeverträglichkeit (HLA-Antikörper-Screening), direkte Fluoreszenzmikroskopie mittels Fluorochromen	3.07 (15042) 007/04.2022	Seradot OF-2 (Biotest), FLUOVERT FS (Leitz)	nein	ja	[Flex C]	21
Serologische Verträglichkeitsprüfung (Cross-Match)	Blut (Heparin, Citrat)/Milz-Zellen, Serum	Lymphozytotoxische Untersuchungen im Rahmen der Gewebeverträglichkeit (HLA-Cross-Match), direkte Fluoreszenzmikroskopie mittels Fluorochromen	3.10 (14035) 020/05.2025	Seradot OF-2 (Biotest), FLUOVERT FS (Leitz)	nein	ja	[Flex C]	7
HLA Typisierung (QType)	EDTA-Blut	Direktnachweis von humanen Zielsequenzen im Untersuchungsmaterial mittels Amplifikationsverfahren und TaqMan-Technologie	3.02 (14028) 011/05.2024 3.32 (228259) 003/12.2022 3.33 (230367) 003/12.2022 (16795) 006/07.2025 (46768) 008/05.2022	Quantstudio 6	ja	ja	[Flex C]	7



### Abteilung Transplantationsdiagnostik

HLA Typisierung (SSO)	EDTA-Blut	mutationsspezifische PCR mit Sonden-Hybridisierung (SSO-PCR), teil- oder vollautomatisiert	3.02 (14028) 011/05.2024 3.05 (14031) 011/12.2022	Luminex FlexMAP 3D	ja	nein	[Flex C]	7
Chimärismus-Analyse nach Stammzell-Transplantation	EDTA-Blut oder - Knochenmark	Hochdurchsatz-Sequenzierung (Next generation sequencing (NGS) - Erstellung von DNA-Bibliotheken amplikonbasiert, Messprinzip: Sequencing by synthesis, Illumina)*	3.02 (14028) 011/05.2024 3.42 (425501)	Illumina MiniSeq	ja	nein	[Flex C]	7
HLA Typisierung und HLA-Loss Untersuchung	EDTA-Blut und/oder - Knochenmark (HLA-Loss)	Hochdurchsatz-Sequenzierung (Next generation sequencing (NGS) - Erstellung von DNA-Bibliotheken amplikonbasiert, Messprinzip: Sequencing by synthesis, Illumina)*	3.02 (14028) 011/05.2024 3.22 (58576) 006/05.2021 3.23 (58375) 006/05.2022 3.30 (186492) 009/01.2025 3.31 (186514) 005/04.2024 3.42 (425501) 002/07.2025	Illumina iSeq100, Illumina MiniSeq	ja	nein	[Flex C]	7

\* Unterauftragsvergabe für Typisierungen für Stammzellspender-Register

\*\* Diese Zeiten sind weit gefasst und enthalten mögliche Wiederholungsuntersuchungen, dennoch kann es ganz vereinzelt zu längeren Bearbeitungszeiten kommen.

# flexible Akkreditierung